

[illegible][illegible][illegible][illegible]

MN073839.1-Ch	TATTGTCACT	ATTTTAAACA	TAAAAACTTT	AAGCATAAGA	TGTCCTAATG	TTCCCTTAAT	TGTTTGATCT	GTTTGATTA	CTCTTTTCT	CTTAGCTTTT
NC048990.1-Ch	.	.	.	T.	A.
KY922482.1-UK
GN-KOR1	.	.	T.
JN-KOR2	.	C.	.	T.	A.
GN-KOR3	.	C.	.	T.	A.
GB-KOR1	.	C.	.	T.	A.
JN-KOR4	.	C.	.	T.	A.
JN-KOR1	.	C.	.	T.	A.
SG-KOR1	.	C.	.	T.	A.
CN-KOR1	.	C.	.	T.	A.
CB-KOR1	.	C.	.	T.	A.
CB-KOR2	.	C.	.	T.	A.
JN-KOR3	.	C.	.	T.	A.
GB-KOR2	.	C.	.	T.	A.
GN-KOR2	.	C.	.	T.	A.
JB-KOR2	.	C.	.	T.	A.
JB-KOR1	.	C.	.	T.	A.
GW-KOR1	.	C.	.	T.	A.
CN-KOR2	.	C.	.	T.	A.
CN-KOR3	.	C.	.	T.	A.
JB-KOR3	.	C.	.	T.	A.

Accession	Sequence
MN073839.1-Ch	TCCTTACCTG TATTAGCTGG TGCCTCTACT ATACTATTAA CAGATCGTAA TTTTAACACT ACTTTTTTTG ACCCTGTAGG AGGAGGTGAC CCTATCCTCT
NC048990.1-ChT.
KY922482.1-UK
GN-KOR1
JN-KOR2
GN-KOR3
GB-KOR1
JN-KOR4
JN-KOR1
GG-KOR1
CN-KOR1
CB-KOR1
CB-KOR2
JN-KOR3
GB-KOR2
GN-KOR2
JB-KOR2
JB-KOR1
GW-KOR1
CN-KOR2
CN-KOR3T.
JB-KOR3

Accession	Strain	Sequence
MN073839.1	-Ch	ACCAACATCT TTTCTGATTC TTTGGCCACC CAGAGGTTTA TATTCTTATT TTACCAGGCT TTGGTATTAT TTCTCATACA GTTATAACTT ACAGAAATAA
NC048990.1	-Ch
KY922482.1	-UK	.T.....
GN-KOR1	C.....
JN-KOR2	
GN-KOR3	G.....
GB-KOR1	G.....
JN-KOR4	G.....
JN-KOR1	G.....
GG-KOR1	G.....
CN-KOR1	G.....
CB-KOR1	G.....
CB-KOR2	
JN-KOR3	
GB-KOR2	G.....
GN-KOR2	
JB-KOR2	G.....
JB-KOR1	G.....
GW-KOR1	G.....
CN-KOR2	
CN-KOR3		.T.....
JB-KOR3	

Accession	Strand	Sequence
MN073839	1-Ch	AAGGGAACCT TTTGGAGGAT TGGGTATAAT TTATGCTATA GTTTCATATG GGACCTTAGG TTTTATTGTG TGGGCTCACC ACATATTAC TGTAGGCTTA
NC048990	1-Ch
KY922482	1-UK
GN-KOR1	
JN-KOR2	
GN-KOR3	
GB-KOR1	
JN-KOR4	
JN-KOR1	
GC-KOR1	
CN-KOR1	
CB-KOR1	
CB-KOR2	
JN-KOR3	
GB-KOR2	
GN-KOR2	
JB-KOR2	
JB-KOR1	
GW-KOR1	
CN-KOR2	
CN-KOR3	
JB-KOR3	

	810	820	830	840	850	860	870	880	890	900	
MN073839.1-Ch	GATGTTGACA	CTCGAGCCTA	TTTACTGCT	GCTACAATGA	TTATTGCTGT	TCTACTGGG	GTAAAGTAT	TTAGTTGGCT	AGCTACTATA	ATAGGAGGCT	
NC048990.1-Ch											
KY922482.1-UK							G				
GN-KOR1											
JN-KOR2											
GN-KOR3											
GB-KOR1											
JN-KOR4											
JN-KOR1											
GG-KOR1							G				
CN-KOR1											
CB-KOR1											
CB-KOR2											
JN-KOR3											
GB-KOR2											
GN-KOR2							G				
JB-KOR2											
JB-KOR1											
GW-KOR1											
CN-KOR2											
CN-KOR3											
JB-KOR3											
	910	920	930	940	950	960	970	980	990	1000	
MN073839.1-Ch	ATGTTAACTT	CACCCCTTCT	TTTATTGAT	CTTTAGGTTT	TGTTTTTTA	TTTACTGTGG	GGGGTTTAAC	TGGTGTATT	TTATCTAATT	CTTCATTGGA	
NC048990.1-Ch											
KY922482.1-UK		T									
GN-KOR1											
JN-KOR2											
GN-KOR3											
GB-KOR1											
JN-KOR4											
JN-KOR1											
GG-KOR1		T							C		
CN-KOR1											
CB-KOR1											
CB-KOR2											
JN-KOR3											
GB-KOR2											
GN-KOR2											
JB-KOR2											
JB-KOR1					A						
GW-KOR1											
CN-KOR2											
CN-KOR3											
JB-KOR3											
	1010	1020	1030	1040	1050	1060	1070	1080	1090	1100	
MN073839.1-Ch	TGTTTCATA	CACGATACAT	ACTAAGTTGT	AGCTCATTTC	CAATATGTTT	TATCTATGGG	GGCTGTTTT	GCTATTATAT	CAGGTATTAC	CCATTGATTC	
NC048990.1-Ch											
KY922482.1-UK											
GN-KOR1	C						C				
JN-KOR2							C				
GN-KOR3							C				
GB-KOR1							C				
JN-KOR4							C				
JN-KOR1							C				
GG-KOR1							C				
CN-KOR1							C				
CB-KOR1							C				
CB-KOR2							C				
JN-KOR3							C				
GB-KOR2							C				
GN-KOR2							C				
JB-KOR2		C					C				
JB-KOR1							C				
GW-KOR1							C				
CN-KOR2		C					C				
CN-KOR3		C					C				
JB-KOR3							C				T
	1110	1120	1130								
MN073839.1-Ch	CCTTACTCTT	ATAATATGCG	TATAAACCCCT	TACTATT							
NC048990.1-Ch											
KY922482.1-UK											
GN-KOR1											
JN-KOR2											
GN-KOR3											
GB-KOR1											
JN-KOR4											
JN-KOR1											
GG-KOR1											
CN-KOR1											
CB-KOR1											
CB-KOR2											
JN-KOR3											
GB-KOR2											
GN-KOR2											
JB-KOR2		A									
JB-KOR1											
GW-KOR1											
CN-KOR2											
CN-KOR3											
JB-KOR3		A									

Figure S1. Multiple alignments of the differing nucleotide positions in the *COI* gene of *Carpoglyphus lactis*. A comparison was conducted between the *COI* sequence (1,137 nucleotides) of *C. lactis* mite isolated from the ROK in this study and the published sequence in GenBank. The highlighted blue frame signified shared nucleotide differences between the isolated strains and those from China (NCBI accession nos.: NC_048990.1, MN073839.1) and the UK (NCBI accession no. KY922482.1).